199700543 DK





SEISTIGES EIGENTUM S Būro

TLICHT NACH DEM VERTRAG ÜBER DIE DEM GEBIET DES PATENTWESENS (PCT)

nternationale Veröffentlichungsnummer:

WO 90/07579

C12N 15/28, C07K 13/00

A1

(43) Internationales Veröffentlichungsdatum:

12. Juli 1990 (12.07.90) -

(21) Internationales Aktenzeichen:

PCT/EP89/01564

(22) Internationales Anmeldedatum:

19. Dezember 1989 (19.12.89)

(30) Prioritätsdaten:

P 38 43 534.9

23. Dezember 1988 (23.12.88) DE

(71) Anmelder (für alle Bestimmungsstaaten ausser US): BASF AKTIENGESELLSCHAFT [DE/DE]; Carl-Bosch-Strasse 38, D-6700 Ludwigshafen (DE).

(72) Erfinder; und

(75) Erfinder/Anmelder (nur für US): DAUM, Lothar [DE/DE]; Reiherstrasse 25, D-6701 Otterstadt (DE). DOERPER, Thomas [DE/DE]; Luitpoldstrasse 3, D-6719 Bissersheim (DE). HILLEN, Heinz [DE/DE]; Max-Planck-Strasse 17, D-6733 Hassloch (DE). MOELLER, Achim [DE/DE]; Wilhelm-Busch-Strasse 51, D-6703 Limburgerhof (DE). SCHOLLMEIER, Klaus [DE/DE]; Lessingstrasse 26, D-6944 Hemsbach (DE). WALKER, Nigel [GB/DE]; Bergstrasse 5, D-6915 Dossenheim (DE). KEILHAUER, Gerhard [DE/DE]; Industriestrasse 20, D-6701 Dannstadt-Schauernheim (DE).

(81) Bestimmungsstaaten: AT (europäisches Patent), BE (europäisches Patent), CH (europäisches Patent), DE (europäisches Patent), FR (europäisches Patent), ES (europäisches Patent), FR (europäisches Patent), ES (europäisches Patent), FR (europäisches Patent), ES (europäisches Pa sches Patent), GB (europäisches Patent), IT (europäisches Patent), JP, LU (europäisches Patent), NL (europäisches Patent), SE (europäisches Patent), US.

Veröffentlicht

Mit internationalem Recherchenbericht.

(54) Title: TUMOUR NECROSIS FACTOR MUTEINS

(54) Bezeichnung: TUMOR NEKROSE FAKTOR MUTEINE

(57) Abstract

Polypeptides derived from tumour necrosis factors (TNF) differ from natural TNF by the substitution and/or deletion of amino acids. These novel polypeptides are useful therapeutic agents.

(57) Zusammenfassung

Es werden TNF-Polypeptide beschrieben, die sich von natürlichen TNF durch den Austausch und/oder durch Deletion von Aminosäuren unterscheiden. Die neuen Polypeptide eignen sich zur Bekämpfung von Krankheiten.

LEDIGLICH ZUR INFORMATION

Code, die zur Identifizierung von PCT-Vertragsstaaten auf den Kopfbögen der Schriften, die internationale Anmeldungen gemäss dem PCT veröffentlichen.

AT	Österreich	ES	Spanien	MIL	Mali
ΑU	Australien	FI	Finnland	MR	Mauritanien
88	Barbados	FR	Frankreich	MW	Mahwi
BE	Belgien	GA	Gabon	NL	Niederlande
BF	Burkina Fasso	GB	Vereinigtes Königreich	NO	Norwegen
BG	Bulgarica	HU	Unicarn	RO	Rumänien
BJ	Benin	IT	Italien	S 0	Sudan
BR	Brasilien	JP	Japan	SE	Schweden
CA	Kanada	KP	Demokratische Volksrepublik Korea	3 N	Senegal
Œ	Zentrale Afrikanische Republik	KR	Republik Korea	SU	Soviet Union
CG	Kongo	u	Liechtenstein	TD	Tachad
CH	Schweiz	LK	Sri Lanka	TG	Togo
CM	Kamerun	ii)	Luxemburg	US	Vereinigte Staaten von Amerika
DΕ	Deutschland, Bundesrepublik	MC	Monaco		•
DK	Dênemark	MG	Madagaskar		

TUMOR NEKROSE FAKTOR MUTEINE

Beschreibung

20

5 Die Erfindung betrifft neue, vom Tumor Nekrose Faktor (TNF) abgeleitete Polypeptide, deren Herstellung und deren Verwendung als Arzneimittel.

Von Carswell et al. (Proc. Natl. Acad. Sci. USA 72, 3666, 1975) wurde berichtet, daß das Serum von Endotoxin-behandelten Tieren, die zuvor mit dem 10 Mycobacterien-Stamm Calmette-Guerin (BCG) infiziert worden waren, eine hämorrhagische Nekrose bei verschiedenen Tumoren in der Maus bewirkte. Diese Aktivität wurde dem Tumor Nekrose Faktor zugeschrieben. TNF zeigt auch eine zytostatische oder zytotoxische Wirkung gegenüber einer Vielzahl von transformierten Zellinien in vitro, während normale menschliche und 15 tierische Zellinien davon nicht betroffen werden (Lymphokine Reports Vol. 2, pp 235-275, Academic Press, New York, 1981). Kürzlich wurde die biochemische Charakterisierung und das Gen für menschlichen TNF beschrieben (Nature 312, 724, 1984; J. Biol. Chem. 260, 2345, 1985; Nucl. Acids Res. 13, 6361, 1985).

Aus diesen Daten läßt sich folgende Proteinstruktur für das reife humane TNF ableiten:

ValArgSerSerArgThrProSerAspLysProValAlaHisValValAlaAsnPro

GlnAlaGluGlyGlnLeuGlnTrpLeuAsnArgArgAlaAsnAlaLeuLeuAlaAsnGly

ValGluLeuArgAspAsnGlnLeuValValProSerGluGlyLeuTyrLeuIleTyrSer

GlnValLeuPheLysGlyGlnGlyCysProSerThrHisValLeuLeuThrHisThrIle

SerArgIleAlaValSerTyrGlnThrLysValAsnLeuLeuSerAlaIleLysSerPro

CysGlnArgGluThrProGluGlyAlaGluAlaLysProTrpTyrGluProIleTyrLeu

GlyGlyValPheGlnLeuGluLysGlyAspArgLeuSerAlaGluIleAsnArgProAsp

TyrLeuAspPheAlaGluSerGlyGlnValTyrPheGlyIleIleAlaLeu

40 Weiterhin wurde das TNF-Gen von Rind, Kaninchen und Maus beschrieben (Cold Spring Harbor Symp. Quant. Biol. 51, 597, 1986).

Neben seinen zytotoxischen Eigenschaften ist TNF einer der Hauptbeteiligten an entzündlichen Reaktionen (Pharmac. Res. 5, 129, 1988). Im Tiermodell konnte die Beteiligung von TNF beim septischen Schock (Science 229,

_:

869, 1985) und der Graft versus Host Disease (J. Exp. Med. 166, 1280, 1987) gezeigt werden.

Es wurde nun gefunden, daß bestimmte Polypeptide, die sich vom TNF 5 ableiten, günstigere Eigenschaften besitzen.

Gegenstand der Erfindung sind TNF-Polypeptide der Formel

ValArgSerSerArgThrProSerAspLysProValAlaHisValValAlaAsnPro

GlnAlaGluGlyGlnLeuGlnTrpLeuAsnArgArgAlaAsnAlaLeuLeuAlaAsnGly

ValGluLeuArgAspAsnGlnLeuValValProSerGluGlyLeuTyrLeuIleTyrSer

GlnValLeuPheLysGlyGlnGlyCysProSerThrHisValLeuLeuThrHisThrIle

SerArgIleAlaValSerTyrGlnThrLysValAsnLeuLeuSerAlaIleLysSerPro

CysGlnArgGluThrProGluGlyAlaGluAlaLysProTrpTyrGluProIleTyrLeu

GlyGlyValPheGlnLeuGluLysGlyAspArgLeuSerAlaGluIleAsnArgProAsp

TyrLeuAspPheAlaGluSerGlyGlnValTyrPheGlyIleIleAlaLeu,

25 worin jedoch mindestens eine Aminosäure in den Positionen 9, 11, 15, 26, 35, 41, 44, 46, 52, 54, 56, 57, 61, 62, 78, 87, 95, 119, 121, 133, 136, 137, 138, 139, 140, 141, 142, 144, 150, 156 und/oder 157 durch eine andere natürliche α-Aminosäure ersetzt ist und N-terminal 1 bis 7 Aminosäuren fehlen können, sowie deren Salze mit physiologisch verträglichen Säuren.

Insbesondere sind Gegenstand der Erfindung die TNF-Polypeptide, in denen mindestens eine der folgenden Veränderungen vorliegt:

Position 9: Ser ersetzt durch A 35 Position 11: Lys ersetzt durch A Position 15: His ersetzt durch B oder C Position 26: Leu ersetzt durch C Position 35: Ala ersetzt durch C Position 41: Val ersetzt durch C 44: Arg ersetzt durch A 40 Position 46: Asn ersetzt durch A Position Position 52: Ser ersetzt durch A Position 54: Gly ersetzt durch C 56: Tyr ersetzt durch C Positi n

```
57:
                     Leu ersetzt durch C
      Position
      Position
                61:
                     Gln ersetzt durch C
                     Val ersetzt durch A oder C
      Position
                62:
                     His ersetzt durch C oder B
      Position
                 78:
5
                87:
                     Tyr ersetzt durch C
      Position
      Position
                 95:
                     Ser ersetzt durch C
                     Tyr ersetzt durch C oder A
      Position 119:
                     Gly ersetzt durch C
      Position 121:
      Position 133: Ser ersetzt durch C
10
      Position 136: Ile ersetzt durch C
      Position 137: Asn ersetzt durch A
      Position 138: Arg ersetzt durch A, B oder C
      Position 139: Pro ersetzt durch A, C oder B
                      Asp ersetzt durch A oder C
      Position 140:
      Position 141: Tyr ersetzt durch A
15
      Position 142: Leu ersetzt durch C
      Position 144: Phe ersetzt durch C oder A
      Position 150: Val ersetzt durch A oder C
       Position 156: Ala ersetzt durch C
20
       Position 157: Leu ersetzt durch B,
```

and the state of t

worin A eine Aminosäure mit geladener Seitenkette, B eine Aminosäure mit polarer ungeladener Seitenkette und C eine Aminosäure mit hydrophober Seitenkette bedeuten. A ist also Arg, His, Lys, Glu oder Asp; B Gln, Asn, 25 Gly, Met, Cys, Ser oder Thr und C Phe, Leu, Ile, Trp, Tyr, Pro, Val oder Ala.

Vorzugsweise sind in dem TNF-Molekül nicht mehr als 10 Aminosäuren ab Position 9 deletiert oder verändert.

30

Als physiologisch verträgliche Säuren sind insbesondere zu nennen:
Salzsäure, Zitronensäure, Weinsäure, Milchsäure, Phosphorsäure,
Methansulfonsäure, Essigsäure, Ameisensäure, Maleinsäure, Fumarsäure,
Äpfelsäure, Bernsteinsäure, Malonsäure, Schwefelsäure, L-Glutaminsäure,
35 L-Asparaginsäure, Brenztraubensäure, Schleimsäure, Benzoesäure,
Glucuronsäure, Oxalsäure, Ascorbinsäure, Acetylglycin.

Zur Herstellung der neuen Polypeptide geht man von der cDNA des humanen TNFs aus, die man gemäß Nature 312, 724, 1984 erhält und in ein Plasmid 40 einbaut. Dieses rekombinante Plasmid, das die genetische Information für

Grand and the second of the se

humanes TNF trägt, dient als Ausgangspunkt für die Herstellung der neuen TNF-Muteine.

Um die beabsichtigten Veränderungen in das Gen für den humanen TNF gezielt 5 einzuführen, wird das TNF-cDNA-Fragment durch aufeinanderfolgende Spaltung mit Restriktionsenzymen und anschließende Elektrophorese durch ein Agarosegel rein hergestellt. Dieses TNF-Gen enthaltende Fragment wird in einen Polylinker eines Bakteriophagenvektors eingebaut (Gene 19,269-276).

10 Durch Transformation von E.coli mit diesem rekombinanten Vektor werden schließlich Phagen erhalten, die den codierenden Strang des humanen TNF-Gens tragen.

Zur gezielten Mutagenese des TNF-Gens werden Oligodesoxynukleotide
15 chemisch synthetisiert, die partiell komplementär zur TNF-Sequenz sind.
Diese Oligonukleotide besitzen eine durchschnittliche Länge von
23 Nukleotiden. Am 5'-Ende ist ein Bereich von etwa 10 Nukleotiden, der
perfekt komplementär zum TNF-codierenden Strang ist. Anschließend folgt
ein Abschnitt von 3 Nukleotiden, der nicht komplementär ist und die
20 gewünschte Veränderung des TNF-Gens trägt. An diesen Abschnitt schließt
sich ein etwa 10 Nukleotide langer Teil an, der wiederum perfekt
komplementär zum TNF-codierenden Strang ist.

Deletionen werden erzeugt, indem man Oligodesoxynukleotide verwendet, die 25 genau vor und hinter der zu deletierenden Gensequenz Komplementarität besitzen; dadurch wird ein Heteroduplex gebildet, in dem die zu deletierende Gensequenz einzelsträngig vorliegt.

Die so konstruierten Oligonukleotide werden mit der rekombinanten TNF-DNA 30 hybridisiert. Anschließend wird mit einer Polymerase und Desoxynukleosidtriphosphaten der Heteroduplex zum vollständigen doppelsträngigen DNA-Molekül aufgefüllt und mit dem Enzym T4 DNA-Ligase kovalent verknüpft.

Mit diesem DNA-Molekül werden kompetente E.coli Zellen transformiert und 35 die so erhaltenen Phagen werden durch in situ Plaque-Testung untersucht (Science 196,180, 1977).

Dazu wird die auf Nitrocellulose überführte Phagen-DNA mit Hilfe des zur Mutagenese verwendeten Oligonukleotids, das radioaktiv markiert ist, 40 durchgetestet.

Unter h chstringenten Bedingungen werden diejenigen Phagen durch Hybridisierung identifiziert, die die gewünschte Veränderung im TNF-Gen tragen. Die Bestätigung der Mutation erfolgt durch DNA-Sequenzierung. Anschließend kann das mutierte TNF-Gen mittels Spaltung mit Restriktionsenzymen aus dem rekombinierten TNF-Vektor herausgelöst und mittels
Gelelektrophorese in reiner Form isoliert werden. Zur Expression dieses
veränderten TNF-Gens in E.coli muß das TNF-Genfragment mit prokaryonti5 schen Signalen wie Promotoren, Terminatoren, ribosomalen Bindungsstellen
versehen werden (Winnacker, Gene und Clone, Verlag Chemie 1984, Seite
192ff). Anschließend wird mit diesem TNF-Expressionsvektor ein E.coliStamm transformiert. Der so erhaltene rekombinante E.coli-Stamm wird zur
Produktion eines TNF-Muteins verwendet, indem man ihn in einem geeigneten
Nährmedium züchtet. Danach werden die Bakterien geerntet und lysiert. So
erhält man ein lösliches Gemisch aus E.coli-Proteinen, aus dem das
gewünschte TNF-Mutein durch bekannte Methoden der Proteinreinigung wie
Ammoniumsulfatpräzipitation, Ionenaustauschchromatographie und Umkehrphasenchromatographie in reiner Form isoliert werden kann.

15 Die neuen Muteine zeigen zum Teil gute zytotoxische Eigenschaften. Ein anderer Teil der Muteine besitzt eine hohe Affinität für den zellulären TNF-Rezeptor, ohne jedoch eine zytotoxische Aktivität zu besitzen. Sie stellen also TNF-Antagonisten dar. Sie binden in Konkurrenz zu natürlichem 20 TNF an den zellulären TNF-Rezeptor und unterdrücken so die TNF-Wirkung. Die neuen Muteine erweisen sich als wertvolle Arzneimittel, die zur Behandlung von neoplastischen Erkrankungen und Autoimmunerkrankungen sowie zur Bekämpfung und Prophylaxe von Infektionen, Entzündungen und Abstoβungsreaktionen bei Transplantationen eingesetzt werden können. Durch 25 einfache Experimente kann geklärt werden, welche Wirkungsweise die einzelnen Muteine besitzen. Mit einer TNF-sensitiven Zelle wird die Zytotoxizität des Muteins durch Inkubation der Zellinie in Gegenwart des Muteins bestimmt. In einem zweiten Versuchsansatz inkubiert man die Zellinie mit dem entsprechenden Mutein in Gegenwart einer letal wirkenden 30 TNF-Menge. Dadurch kann die TNF-antagonisierende Wirkung nachgewiesen werden. Außerdem wird durch ein in vitro Bindungsexperiment die Affinität des Muteins zum zellulären TNF-Rezeptor bestimmt.

Die biologische Charakterisierung der neuen Muteine auf ihre agonistische 35 oder antagonistische Wirkung erfolgte in folgenden Testsystemen:

- Zytotoxizitätstest auf TNF-sensitiven Indikatorzellen,
- II. Kompetition-Zytotoxizitätstest auf TNF-sensitiven40 Indikatorzellen,
 - III. Kompetition-Rezeptorbindungstest auf TNF-Rezeptor exprimierenden Indikatorzellen.

10

15

20

25

30

35

40

I. Zytotoxizitätstest

Die agonistische Bewertung der neuen Muteine basiert auf deren zytotoxischer Wirkung auf TNF-sensitiven Zellen (z.B. L929, MCF-7, A204, U937). Der Test mit L929 und MCF-7 wurde wie folgt durchgeführt:

 100 μl Kulturmedium mit 3 bis 5 x 10³ frisch trypsinierten, sich im exponentiellen Wachstum befindenden L929-Zellen (Maus) bzw. MCF-7-Zellen (Mensch) wurden in die Vertiefungen einer 96-Loch-Flachboden-Kulturplatte pipettiert. Die Platte wurde über Nacht bei 37°C im Brutschrank inkubiert. Die mit Wasserdampf gesättigte Luft im Brutschrank enthielt 5 Vol% CO₂.

Das L929-Kulturmedium enthielt 500 ml MEM Earle 1x (Boehringer, Mannheim), 50 ml hitzeinaktiviertes (30 min, 56°C) foetales Kälberserum (FCS), 50 ml L-Glutamin (200 mM), 5 ml 100x nichtessentielle Aminosäuren, 3 ml 1M Hepes-Puffer pH 7,2 und 50 ml Gentamycin (50 mg/ml).

Das MCF-7-Kulturmedium enthielt 500 ml MEM Dulbecco 1x (Boehringer, Mannheim), 100 ml hitzeinaktiviertes (30 min, 56°C) FCS, 5 ml L-Glutamin und 5 ml 100x nichtessentielle Aminosäuren.

- 2. Am folgenden Tag wurden 100 μ l der zu prüfenden Mutein-Lösung zu den Zellkulturen gegeben und seriell 2-fach titriert. Zusätzlich wurden einige Zellkontrollen (d.h. nicht mit Mutein-Verdünnung behandelte Zellkulturen) und einige rhu-TNF-Kontrollen (d.h. mit rekombinanten humanen TNF behandelte Zellkulturen) mit angelegt. Die Kulturplatte wurde 48 h bei 37°C in einer Atmosphäre aus wasserdampf-gesättigter Luft mit 5 Vol.% CO $_2$ inkubiert.
 - 3. Der Prozentsatz überlebender Zellen in den mit Mutein-Verdünnung behandelten Kulturen wurde mittels der Kristallviolettfärbung bestimmt. Dazu wurden die Flüssigkeiten aus den Vertiefungen durch Abschlagen der Testplatte entfernt. In jede Vertiefung wurden 50 μ l Kristallviolettlösungen pipettiert.

Die Kristallviolettlösung hatte folgende Zusammensetzung:

3,75 g Kristallviolett

1,75 g NaCl

161,5 ml Ethanol

43,2 ml 37 % Formaldehyd

ad 500 ml Wasser

20

25

30

Die Kristallviolettlösung blieb 20 min in den Vertiefungen und wurde dann ebenfalls abgeschlagen. Anschließend wurden die Platten jeweils 5 mal durch Eintauchen in Wasser gewaschen, um den nicht zellgebundenen Farbstoff zu entfernen. Der zellgebundene Farbstoff wurde durch Zugabe von 100 μ l Reagenzlösung (50 % Ethanol, 0,1 % Eisessig, 49,9 % Wasser) in jede Vertiefung aus den Zellen extrahiert.

- Durch Schütteln der Platten für 5 min erhielt man in jeder
 Vertiefung eine gleichmäßig gefärbte Lösung. Zur Bestimmung der überlebenden Zellen wurde die Extinktion der Färbelösung in den einzelnen Vertiefungen bei 540 nm gemessen.
- 5. Danach wurde, bezogen auf die Zellkontrolle, der 50 % Zytotoxizitätswert definiert und der Kehrwert der Probenverdünnung, die
 zu 50 % Zytotoxizität führt, als zytotoxische Aktivität der
 untersuchten Probe ermittelt.

II. Kompetition-Zytotoxizitätstest

Die antagonistische Bewertung der Muteine basiert auf deren Eigenschaft, die zytotoxische Wirkung von rhu-TNF auf TNF-sensitiven Zellen (z.B. L929, MCF-7, A204, U937) zu kompetitieren. Der Kompetition-Zytotoxitätstest mit L929 und MCF-7-Zellen wurde wie folgt durchgeführt:

- 1. 100 μ l Kulturmedium mit 3 bis 5 x 10³ frisch trypsinierten, sich im exponentiellem Wachstum befindenden L929-Zellen (Maus) bzw. MCF-7-Zellen (Mensch) wurden in die Vertiefungen einer 96-Loch-Flachboden-Kulturplatte pipettiert. Die Platte wurde über Nacht bei 37°C im Brutschrank inkubiert. Die mit Wasserdampf gesättigte Luft im Brutschrank enthielt 5 Vol% CO_2 .
- Das L929-Kulturmedium enthielt 500 ml MEM Earle 1x (Boehringer, Mannheim), 50 ml für 30 min bei 56°C hitzeinaktiviertes FCS, 5 ml L-Glutamin (200 mM), 5 ml 100x nichtessentielle Aminosäuren, 3 ml 1M Hepes-Puffer pH 7,2 und 500 μ l Gentamycin (50 mg/ml).
- Das MCF-7-Kulturmedium enthielt 500 ml MEM Dulbecco 1x

 (Boehringer, Mannheim), 100 ml hitzeinaktiviertes (30 min, 56°C)

 FCS, 5 ml L-Glutamin (200 mM) und 5 ml 100x nichtessentielle

 Aminosäuren.

10

15

20

25

40

- 2. Am nächsten Tag wurden $100~\mu l$ der zu prüfenden Mutein-Lösung zu den Zellkulturen zugegeben und seriell 2-fach titriert. Zu diesen Zellkulturen wurden dann $100~\mu l$ einer rhu-TNF-Verdünnung in Kulturmedium, die in der Endkonzentration in der Zellkultur eine 80--100~% zytotoxische Wirkung hat, zugegeben. Zudem wurden einige Zellkontrollen (d.h. nicht mit Mutein-Lösung und nicht mit rhu-TNF-Lösung behandelte Zellkulturen) und einige rhu-TNF-Kontrollen (=nur mit rhu-TNF-Lösung behandelte Zellkulturen) mit angelegt. Die Kulturplatte wurde dann 48~h bei 37° C in einer Atmosphäre aus wasserdampf-gesättigter Luft mit 5~Vol.% CO $_2~\text{inkubiert.}$
- 3. Der Prozentsatz überlebender Zellen in den mit Substanzlösung behandelten Kulturen wurde mittels der Kristallviolettfärbung bestimmt. Dazu wurden die Flüssigkeiten aus den Vertiefungen durch Abschlagen der Testplatte entfernt. In jede Vertiefung wurden 50 μ l Kristallviolettlösungen pipettiert.

Die Kristallviolettlösung hatte die in II.3 angegebene Zusammensetzung.

Die Kristallviolettlösung blieb 20 min in den Vertiefungen und wurde dann ebenfalls abgeschlagen. Anschließend wurden die Platten jeweils 5 mal durch Eintauchen in Wasser gewaschen, um den nicht zellgebundenen Farbstoff zu entfernen. Der zellgebundene Farbstoff wurde durch Zugabe von 100 μ l Reagenzlösung (50 % Ethanol, 0,1 % Eisessig, 49,9 % Wasser) in jede Vertiefung aus den Zellen extrahiert.

- 30 4. Durch Schütteln der Platten für 5 min erhielt man in jeder Vertiefung eine gleichmäßig gefärbte Lösung. Zur Bestimmung der überlebenden Zellen wurde die Extinktion der Färbelösung in den einzelnen Vertiefungen bei 540 nm gemessen.
- 5. Danach wurde, bezogen auf die Zellkontrolle und die rhu-TNF-Kontrolle der 50 % Kompetitionswert definiert und die Probenkonzentration, die bei der vorgelegten rhu-TNF-Konzentration zu 50 % Kompetition der rhu-TNF-Zytotoxität führt, als antagonistische Aktivität der untersuchten Probe ermittelt.

III.Kompetition-Rezeptorbindungstest and who is the plants.

Sowohl die agonistische als auch die antagonistische Wirkung von Muteinen setzt voraus, daß letztere an den TNF-Rezeptor binden. Das

bedeutet, daß Muteine mit agonistischer bzw. antagonistischer Wirkung und rhu-TNF um die Bindung am TNF-Rezeptor auf TNF-sensitiven Indikatorzellen (z.B. U937) konkurrieren. Der Kompetition-Rezeptorbindungstest wurde wie folgt durchgeführt:

5

100 μ l Medium mit verschiedenen Konzentrationen des zu prüfenden 1. Muteins sowie des rhu-TNF (=Kontrolle) wurden in die Reaktionsgefäße pipettiert. Das Medium enthielt 500 ml PBS (Boehringer, Mannheim), 10 ml hitzeinaktiviertes (30 min, 56°C) FCS und 100 mg Natriumazid.

10

Anschließend wurden 100 μ l Medium mit 1 ng 125 Jod-markiertem 2. rhu-TNF (Lactoperoxidase-Methode nach Bolton) in die Reaktionsgefäße gegeben und gemischt. Zur Bestimmung der unspezifischen Bindung (NSB) wurde in den Reaktionsgefäßen das 125Jod-markierte rhu-TNF (1 ng 125J-rhu-TNF in 100 μ l Medium) mit dem 200-fachen Überschuβ an nicht radioaktiv markiertem rhu-TNF (200 ng rhu-TNF in 100 μ l Medium) gemischt.

20

15

Dann wurden 100 μ l Medium mit 2 x 106 U937-Zellen (Mensch) in die 3. Reaktionsgefäße pipettiert und gemischt. Die Reaktionsgefäße (Testvolumen 300 μ l) wurden 90 min bei 0°C inkubiert. Nach 45 min wurden die Reaktionsansätze nochmals durchmischt.

25

Nach der Inkubationszeit wurden die Zellen 5 min bei 1800 rpm und 4°C zentrifugiert, 3 mal mit Medium gewaschen, quantitativ in Zählröhrchen überführt und die zellgebundene Radioaktivität in einem Clini Gamma Counter 1272 (LKB Wallac) bestimmt.

30

35

40

Nach Korrektur der Meβwerte um die unspezifische Bindung wurde, 5. bezogen auf die Gesamtbindung, der 50 % Kompetitionswert definiert und die Probenkonzentration, die bei der vorgelegten 125J-rhu-TNF-Konzentration zu 50 % Kompetition der 125J-rhu-TNF-Bindung führt, als kompetitive Aktivität der untersuchten Probe ermittelt.

Beispiel

4.

Herstellung eines Vektors, der die cDNA des humanen TNFs trägt. ec.

Ausgangsmaterial war das 578 bp lange TNF-cDNA-Fragment, das für die Aminosauren 8 bis 157 codiert (Aval-Hind3-Fragment).

Dieses TNF-cDNA-Teilfragment wurde mit einem chemisch synthetisierten Adaptor, der für die Aminosäuren 1 bis 7 codiert, verknüpft und in einen geeigneten Vektor eingebaut.

5 Als Adaptor diente ein doppelsträngiges DNA-Molekül folgender Sequenz:

CGATACTACTATG(N)_X
TATGATGATAC(M)_XGGCT,

10 worin

20

25

30

35

40

- x 0 oder eine durch 3 teilbare Zahl von 3 bis 21,
- N A, G, C oder T und

15

M das jeweils komplementäre Nukleotid zu N sind.

Durch Variation der Adaptoren konnte die Sequenz am 5'-Ende der TNF-cDNA beeinflußt und somit nach erfolgter Genexpression der Aminoterminus des TNF-Proteins verändert werden.

Wurde für N_{21} GTCAGATCATCTTCTCGAACC eingesetzt, so erhielt man die cDNA für die gesamte reife Form des humanen TNF (1-157), wobei vor der Aminosäure 1 ein Methionin eingebaut ist.

Für x gleich 0 erhielt man einen Adaptor, der nach Verknüpfung mit der TNF-cDNA für ein TNF-Protein codierte, bei dem die ersten 7 Aminosäuren am Aminoterminus deletiert sind. Weiterhin konnten durch Variation von N alle Deletionen zwischen 1 und 7 Aminosäuren am Aminoterminus des TNF erzeugt werden.

Die Adaptoren wurden durch vollautomatische chemische Synthese (Applied Biosystems 380A) hergestellt und durch präparative Polyacryl-amid-Gelelektrophorese gereinigt.

Als Vektor diente ein 4,3 kb langes DNA-Molekül, das aus pBR322 durch Spaltung mit Clal und Hind3 erhalten wurde.

0,2 pMol des 587 bp langen TNF-Fragmentes wurden mit 0,5 pMol des entsprechenden Adaptors und 0,1 pMol des Vektors mit Hilfe des Enzyms T4-DNA Ligase verknüpft. Mit dieser DNA wurden der E.coli-Stamm W3110 (ATCC 27325) transformiert und ein Klon mit der entsprechenden DNA-Sequenz isoliert.

10

15

B. Herstellung eines Einzelstrangvektors mit der codierenden Sequenz des humanen TNF

Der oben beschriebene TNF-cDNA-Vektor wurde mit den Restriktionsenzymen EcoRl und Hind3 gespalten. Man erhielt das 0,6 kb große TNF-cDNA-Fragment durch Gelelektrophorese und anschließende Extraktion aus dem Gel in reiner Form. 100 ng dieses Fragments wurden mit 1 μ g des M13mp8-EcoRl-Hind3-Vektorfragments in 20 μ l 50mM TrisHCl (pH=7,4), 10mM MgCl 2 25mM Dithiothreitol und 1 mM ATP in Gegenwart von 5 Einheiten T4-DNA-Ligase gemischt und über Nacht bei 14°C inkubiert.

Mit diesem Gemisch wurde E.coli JM103 (erhältlich von der Firma Pharmacia) transformiert. Man isolierte durch Ausstanzen aus den Kulturplatten mehrere Plaques, die durch DNA-Sequenzierung auf TNF-cDNA-Insertion untersucht wurden. Der rekombinierte Phage mit dem codierenden Strang der TNF-cDNA wird M13-TNF genannt.

- C. Herstellung von Vektoren mit veränderter TNF-Sequenz
- Der oben beschriebene M13-TNF war das Ausgangsmolekül für die gezielte Mutagenese des TNF-Gens. Um die beabsichtigten Veränderungen einzuführen, benötigte man Oligodesoxynukleotide, die partiell komplementär zum TNF-codierenden Strang sind ("antisense Oligonukleotide"). Diese Oligonukleotide besitzen eine Länge zwischen 15 und 30 Nukleotiden; bevorzugt verwendet wurden Oligonukleotide mit einer Länge von 23 Nukleotiden. Dabei waren die ersten 10 Nukleotide perfekt komplementär zum TNF-codierenden Strang, dann folgte ein nicht-komplementärer Bereich, der die beabsichtigte Veränderung im TNF-Gen trug, und anschließend folgte wieder ein perfekt komplementärer Bereich von 10 Nukleotiden. Das antisense Oligonukleotid für den Austausch der Aminosäure Nr. 9 Serin gegen Asparaginsäure war

pCAGGCTTGTCGTCCGGGGTTCGA.

35 Das antisense Oligonukleotid für die Deletion der Aminosäure Nr 140 Asparaginsäure war

PAGTCGAGATAGGGCCGATTG.

Olie für die Mutagenese verwendeten Oligonukleotide sind in Tab. 1 aufgeführt.

Tabelle 1

	Nr.			s	eq	ue	nz	5	•	-	3′													
5	1	С	A	G	G	С	т	Т	G	Т	С	G	т	С	С	G	G	G	G	Т	Т	С	G	A
	2	G	G	G	С	T	Α	С	Α	G	G	С	Т	С	G	τ	С	Α	С	Т	С	G	G	G
	3	T	T	G	С	Т	Α	С	Α	Α	С	Α	G	Α	G	G	С	Т	A	С	Α	G	G	С
	4	T	T	G	С	Т	Α	С	Α	Α	С	Α	Α	С	G	G	С	Т	Α	С	Α	G	G	С
	5	T	T	G	С	T	Α	С	A	Α	С	G	G	T	G	G	С	T	Α	С	Α	G	G	С
10	6	T	T	G	С	Т	A	С	A	A	С	С	Т	G	G	G	С	T	Α	С	A	G	G	С
	7	Α	С	T	G	G	A	G	С	T	G	T	T	С	С	T	С	Α	G	С	T	T	G	Α
	8	T	G	G	С	С	A	G	G	A	G	G	A	G	Α	T	T	G	G	С	С	С	G	G
	9	С	T	С	T	С	A	G	С	T	С	С	A	Т	G	С	С	Α	T	T	G	G	С	С
	10	G	С	T	G	G	T	T	A	T	С	T	T	T	С	A	G	С	T	С	С	A	С	G
15	11	С	C	Α	С	С	Α	G	С	T	G	G	T	С	A	T	С	T	С	T	С	A	G	С
	12	A	С	A	G							G											С	С
	13	T	G	Α	G	G										T						G	G	С
	14	Α	G	T	A	G	A									A						Τ	С	Ŧ
	15	Α	G	T	A	G	A									A						Τ	С	T
20	16	A	G	T	Α											Α							С	Ţ
	17		G													T								
	18	T	G	Α												G								
	19	С	С	T												T							A	
	20	С	С	T												T								
25	21	G				G										G								
	22		G	С		G										·G								
	23			С		G										G								
	24		G	С		G										G								
	25	_	С	T		G										G								
30	26		G																					G.
	27											G												G
	28	_	C	C	_																			Α .
	29																							: A
25	30																							
35	31																							. C
	32																							. G
	33																							A :
	34																							G
4.0	35 36																							
40	36																							C; A,
	37 38																							CA
	38 39																							CA
																								T C
•	40	•	. (, <i>F</i>	• (3 F	•		м (3	• '	٠ ١	3	•	•	· ·	٠ '	.	77	•	• '	-	••	. •

25

30

35

40

Tabelle 1 (Fortsetzung)

	41	С	G	A	G	A	Т	A	G	T	С	G	Α	T	С	С	G	A	T	Т	G	A	T	С				
	42	C	G	Α	G	A	T	A	G	T	С	A	С	С	C	С	G	A	T	T	G	Α	T	С				
5	43	Α	G	T	С	G	A	G	Α	T	A	Α	G	G	G	G	G	С	С	G	A	T	T	G				
	44	Α	G	T	С	G	A	G	A	T	A	T	T	T	G	G	G	С	С	G	A	Ţ	T	G				
	45	Α	G	T	С	G	Α	G	A	T	A	T	T	T	G	G	G	С	С	G	A	Τ	T	G				
	46	С	Α	A	A	G	T	C	G	A	G	G	T	G	G	T	C	G	G	G	С	С	G	A				
	47	С	G	G	С	A	A	A	G	T	С	G	A	A	A	T	A	G	T	С	G	G	G	С				
10	48	С	Α	G	Α	С	T	С	G	G	С	A	G	C	G	T	С	G	A	G	A	T	A	G				
	49	С	Α	G	A	С	T	С	G	G	С	T	. T	С	G	T	С	G	: A	G	A	T	A	G				
	50	С	A	G	A	С	T	С	G	G	С	G	T	G	G	T	C	G	A	G	A	T	A	G				
	51	С	A	G	Α	С	τ	C	G	G	C	Α	С	G	G	T	С	G	A	G	A	T	A	G				
	52	T	C	С	С	A	Α	A	G	T	A	G	A	G	С	Т	G	С	С	С	Α	G	A	С				
15	53	T	С	С	С	A	Α	A	G	T	A	G	A	T	С	T	G	С	С	С	A	G	Α	С				
	54	Τ	С	С	С	A	A	A	G	Ţ	Α	G	T	G	C	Τ	G	С	С	С	A	G	A	С				
	55	С	G	A	С	τ	С	A	С	A	G	A	Α	С	Α	A	T	G	A	T	С	C	С	A				
	56	T	G	T	C	G	A	C	Ŧ	C	A	G	С	С	G	G	С	A	A	T	G	A	T	С				
	57	G	G	C	G	G	G	С	T	G	T	С	T	C	A	G	С	С	С	A	G	G	G	С	A	Α	Ţ	G

Diese Oligonukleotide wurden mittels konventioneller Methoden synthetisiert. Zum Gebrauch bei der Mutagenese wurden 10pMol des Oligonukleotids 30 min bei 37°C in 10 μ l 50 mM TrisHCl (pH=7,5), 0,1 mM EDTA, 10 mM MgCl $_2$ 10 mM Dithiothreitol, 0,1 mM ATP in Gegenwart von 5 Einheiten T4 Polynukleotid-Kinase phosphoryliert.

Zum Gebrauch als Probe (s. unten) wurden 2 pMol des synthetischen Oligonukleotids wie oben angegeben phosphoryliert, nur daß anstatt 0,1 mM ATP 1 μ M γ -32 P-ATP verwendet wurde.

Die spezifische Aktivität lag im Bereich von $5\cdot 10^6$ cpm pro pMol Oligonukleotid.

Die Hybridisierung der Oligonukleotide mit der einzelsträngigen DNA von M13-TNF ergab nach Kettenverlängerung eine Heteroduplex-DNA, bei der ein Strang die mutierte DNA beinhaltete.

Zur partiellen Heteroduplexbildung wurden 300 ng M13-TNF DNA mit 1 pMol des phosphorylierten Oligonukleotids in 20 μ l 10 mM TrisHCl (pH=7,5), 0,1 mM EDTA, 50 mMol NaCl auf 80°C (2 min), 50°C (5 min) und Raumtemperatur (5 min) erwärmt. Die Kettenverlängerung wurde durch Zugabe von 30 μ l 50 mM TrisHCl (pH=8,0), 0,1 mM EDTA, 12 mM MgCl₂, 10 mM Dithiothreit 1, 0,7 mM ATP, 0,07 mM dATP, 0,2 mM an dGTP, dTTP, dCTP, 2 Einheiten E.c li P lymerase I (gr β es Fragment) und 20 Einheiten T4 DNA-Liqase gestartet.

10

15

25

35

40

Nach 30 min bei Raumtemperatur wurde das Reaktionsgemisch 4 h bei 37°C inkubiert und anschließend bei 4°C über Nacht inkubiert. Aliquots wurden mit Phenol extrahiert, die DNA mit Ethanol ausgefällt und in 15 μ l Wasser gelöst. Die DNA dieser Aliquots wurde zur Transformation von E.coli JM 103 benutzt.

Bakterienkulturschalen (15 cm Durchmesser), die einige Hundert rekombinante Phagen-Plaques enthalten, wurden durch in situ Plaque-Hybridisierung (Science 196, 180, 1977) auf den mutierten Genotyp hin untersucht, indem man das entsprechende radioaktiv markierte Oligo-nukleotid (die Probe) und Nitrocellulosefilterabzüge der Phagen-Plaques hybridisierte (etwa 106 cpm pro Filter). Die Hybridisierung geschah über Nacht bei 50° C, 40% Formamid und $5 \cdot SSC$ ($1 \cdot SSC = 0,1$ M NaCl, 15 mM Natriumcitrat pH=7,2).

Die Filter wurden bei 45° C in $2 \cdot SSC$, 0,02% Natriumdodecylsulfat gewaschen, an der Luft getrocknet, auf einen Röntgenfilm aufgebracht und bei -70° C exponiert.

Es war notwendig, die Stringenz der Hybridisierung (durch Veränderung der SSC-Konzentration beim Waschen der Filter) für das entsprechende Oligonukleotid individuell einzustellen; jede Mutante variierte je nach Anzahl und Art der ausgetauschten oder deletierten Nukleotide in ihrer Fähigkeit, mit dem Oligonukleotid zu hybridisieren.

Ein mit der radioaktiv markierten Probe hybridisierender Phage wurde aus der Bakterienkulturplatte ausgestanzt und als Inokulum zur Infektion von E.coli JM 103 verwendet.

Aus dem Kulturüberstand wurde die einzelsträngige DNA, aus dem Zellniederschlag die doppelsträngige DNA präpariert.

Die einzelsträngige DNA wurde nach der Didesoxymethode (Proc.Natl.Acad.Sci., USA 74, 5463, 1977) sequenziert, um die Mutation zu bestätigen. Dann konnte aus der doppelsträngigen DNA durch Spaltung mit den Restriktionsenzymen Clal und Hind3 und anschlieβende Gelelektrophorese das Gen für das TNF-Mutein isoliert werden.

D. Produktion der TNF-Muteine

0000 0000

Das in den obigen Beispielen hergestellte Gen für ein TNF-Mutein wurde an seinem 5'-Ende (Clal) mit Promotorsequenzen, wie z.B. lac-Promotor oder trp-Promotor und ribosomalen Bindungsstellen verknüpft. An seinem 3'-Ende (Hind3) enthielt das Gen einen Transkriptionsterminator, wie

10

25

30

35

40

den trpA-Terminator. Diese DNA-Sequenzen sind alle kommerziell erhältlich (Pharmacia-LKB, Freiburg).

Das so mit den nötigen Expressionssignalen versehene Gen für das TNF-Mutein wurde in einen Vektor wie z.B. pBR322 eingebaut. Mit diesem Vektor wurde der E.coli Stamm W3110 transformiert und die erhaltenen Klone auf TNF-Mutein-Produktion getestet. Dazu wurde der Bakterien-überstand nach Verdünnung in einem biologischen Test untersucht. Positive Bakterienklone werden bei 37°C in 10 l LB-Nährmedium gezüchtet.

E. Reinigung der Proteine

1 l Fermentationsbrühe eines eine neue Substanz produzierenden E.coliStamms wurden 30 min bei 3000 g zentrifugiert. Der Rückstand wurde in
200 ml 0,4 M Argininhydrochlorid, 20 mM Natriumphosphat pH 8,5 aufgenommen und 30 min mit Ultraschall behandelt. Die Suspension wurde mit
6 ml 2M MnCl₂ versetzt und 45 min bei 3000 g zentrifugiert. Der
Überstand wurde mit verdünnter NH₃-Lösung auf pH 8,9 gebracht und mit
festem Ammoniumsulfat auf 60 % Sättigung eingestellt.

Das Proteinpräzipitat wurde in 0,2 M Argininhydrochlorid pH 7,5 suspendiert und gegen 0,4 M Argininhydrochlorid pH 7,5 dialysiert. Nach 16 h wurde mit verdünnter NH_3 -Lösung auf pH 8,5 eingestellt und auf das 5fache Volumen mit Wasser verdünnt.

Diese Lösung wurde über eine mit 0,01 M Argininpuffer pH 8,5 äquilibrierte &R-Sepharose-Säule (Pharmacia) chromatographiert. Die Elution erfolgte mit 0,02 M Na-Phosphat, 0,06 M NaCl. Das Eluat wurde nach dem Verdünnen auf das 2,5fache über eine mit 0,02 M Na-Phosphat pH 8,0 äquilibrierte &S-Sepharose-Säule (Pharmacia) chromatographiert. Nach Waschen der Säule mit Äquilibrierungspuffer erhielt man durch Elution mit 0,05 M Na-Phosphat, 0,1 M NaCl, 0,1 M Arginin pH 8,6 SDS-Polyacrylamidgel-elektrophoretisch reines Protein.

So wurden durch Mutagenese mit den in Tabelle 1 aufgeführten Oligonukleotiden in der angegebenen Reihenfolge folgende TNF-Proteine hergestellt (Die Positionen geben die Stellung im TNF an, die verändert ist):

Position 9: Ser ersetzt durch Asp
P sition 11: Lys ersetzt durch Glu
P sition 15: His ersetzt durch Ser
P sition 15: His ersetzt durch Val
Position 15: His ersetzt durch Thr
Position 15: His ersetzt durch Gln

30.00

Phe ersetzt durch Argonia

Val ersetzt durch Leu

```
Position
                  24:
                       Gly ersetzt durch Glu
                  35:
                       Ala ersetzt durch Leu
       Position
                  41:
                       Val ersetzt durch Met
       Position
       Position
                  44:
                       Arg ersetzt durch Lys
5
       Position
                  46:
                       Asn ersetzt durch Asp
                  52:
                       Ser ersetzt durch Asp
       Position
                  54:
       Position
                       Gly ersetzt durch Val
       Position
                  56:
                       Tyr ersetzt durch Phe
       Position
                  56:
                       Tyr ersetzt durch Ile
10
                  56:
                       Tyr ersetzt druch Leu
       Position
                  57:
       Position
                       Leu ersetzt durch Ala
                       Gln ersetzt durch Ile
       Position
                  61:
       Position
                  62:
                       Val ersetzt durch Ile
       Position
                  62:
                       Val ersetzt durch Leu
15
                  62:
                       Val ersetzt druch His
       Position
       Position
                  78:
                       His ersetzt durch Ser
       Position
                  78:
                       His ersetzt durch Glu
       Position
                  78:
                       His ersetzt druch Thr
                       His ersetzt druch Val
       Position
                 78:
20
                        Tyr ersetzt durch Phe
       Position
                  87:
       Position
                  87:
                        Tyr ersetzt durch His
                        Ser ersetzt durch Val
       Position
                  95:
                        Tyr ersetzt durch Phe
       Position
                 119:
       Position
                 119:
                        Tyr ersetzt durch Arg
25
       Position
                  121:
                        Gly ersetzt durch Ala
                  121:
       Position
                        Gly ersetzt durch Val
       Position
                 133:
                        Ser ersetzt durch Val
                        Ile ersetzt durch Val
       Position
                  136:
       Position
                  137:
                        Asn ersetzt durch Asp
                        Arg ersetzt durch Asp
30
       Position
                  138:
       Position
                  138:
                        Arg ersetzt durch Gly
                  138:
                        Arg ersetzt durch Leu
       Position
       Position
                  139:
                        Pro ersetzt durch Asp
                  139:
                        Pro ersetzt durch Ile
        Position
                        Pro ersetzt durch Gly
35
        Position
                  139:
        Position
                  140:
                        Asp ersetzt durch Pro
        Position
                  140:
                        Asp ersetzt durch Lys
                  141:
                        Tyr ersetzt durch His
        Position
                  142:
                        Leu ersetzt durch Phe
        Position
40
        Position
                  144:
                        Phe ersetzt durch Ala
                        Phe ersetzt durch Glu
                  144:
        Position
                  144: Phe ersetzt durch Hispers and the second
```

Position

Position

Position 150:

144:

Position 150: Val ersetzt durch Ile Position 150: Val ersetzt durch His Position 156: Ala ersetzt durch Val Position 157: Leu ersetzt durch Gly.

Patentansprüche

30

- 1. TNF-Polypeptide der Formel
- ValArgSerSerArgThrProSerAspLysProValAlaHisValValAlaAsnPro
 GlnAlaGluGlyGlnLeuGlnTrpLeuAsnArgArgAlaAsnAlaLeuLeuAlaAsnGly
 ValGluLeuArgAspAsnGlnLeuValValProSerGluGlyLeuTyrLeuIleTyrSer
 GlnValLeuPheLysGlyGlnGlyCysProSerThrHisValLeuLeuThrHisThrIle
 SerArgIleAlaValSerTyrGlnThrLysValAsnLeuLeuSerAlaIleLysSerPro
 CysGlnArgGluThrProGluGlyAlaGluAlaLysProTrpTyrGluProIleTyrLeu
 GlyGlyValPheGlnLeuGluLysGlyAspArgLeuSerAlaGluIleAsnArgProAsp
- GlyGlyValPheGlnLeuGluLysGlyAspArgLeuSerAlaGluIleAsnArgProAsp

 TyrLeuAspPheAlaGluSerGlyGlnValTyrPheGlyIleIleAlaLeu,

 20

worin jedoch mindestens eine Aminosäure in den Positionen 9, 11, 15, 26, 35, 41, 44, 46, 52, 54, 56, 57, 61, 62, 78, 87, 95, 119, 121, 133, 136, 137, 138, 139, 140, 141, 142, 144, 150, 156 und/oder 157 durch eine andere natürliche α -Aminosäure ersetzt ist und N-terminal 1 bis 7 Aminosäuren fehlen können, sowie deren Salze mit physiologisch verträglichen Säuren.

 TNF-Polypeptide gemäß Anspruch 1, in denen mindestens eine der folgenden Veränderungen vorliegt:

9: Ser ersetzt durch A Position 11: Lys ersetzt durch A Position 15: His ersetzt durch B oder C Position 26: Leu ersetzt durch C Position 35: Ala ersetzt durch C 35 Position 41: Val ersetzt durch C Position Position 44: Arg ersetzt durch A 46: Asn ersetzt durch A Position 52: Ser ersetzt durch A Position 54: Gly ersetzt durch C Position 40 Position 56: Tyr ersetzt durch C

Position

57: Leu ersetzt durch C

```
Gln ersetzt durch C
                61:
      Position
                    Val ersetzt durch A oder C
                62:
      Position
                                                      7 40-2 4786
                78: His ersetzt durch C oder B
      Position
                87: Tyr ersetzt durch C
      Position
                95: Ser ersetzt durch C
      Position
5
      Position 119: Tyr ersetzt durch C oder A
      Position 121: Gly ersetzt durch C
               133: Ser ersetzt durch C
      Position
               136: Ile ersetzt durch C
      Position
      Position 137: Asn ersetzt durch A
10
      Position 138: Arg ersetzt durch A, B oder C
      Position 139: Pro ersetzt durch A, C oder B
      Position 140: Asp ersetzt durch A oder C
      Position 141: Tyr ersetzt durch A
      Position 142: Leu ersetzt durch C
15
      Position 144: Phe ersetzt durch C oder A
       Position 150: Val ersetzt durch A oder C
       Position 156: Ala ersetzt durch C
       Position 157: Leu ersetzt durch B,
```

worin A eine Aminosäure mit geladener Seitenkette, B eine Aminosäure mit polarer ungeladener Seitenkette und C eine Aminosäure mit hydrophober Seitenkette bedeuten.

- 25 3. DNA codierend für ein TNF-Polypeptid gemäß Anspruch 1.
 - Vektor enthaltend eine DNA gemäß Anspruch 3.
- Wirtsorganismus enthaltend einen Vektor gemäß Anspruch 4.
 30
 - 6. Verfahren zur Herstellung eines TNF-Polypeptids gemäß Anspruch 1, dadurch gekennzeichnet, daß man einen Wirtsorganismus nach Anspruch 5 züchtet und das TNF-Polypeptid daraus isoliert.
- 35 7. TNF-Polypeptide gemäß Anspruch 1 zur Verwendung bei der Bekämpfung von Krankheiten.
- Verwendung der TNF-Polypeptide gemäß Anspruch 1 zur Bekämpfung von neoplastischen Erkrankungen und Autoimmunerkrankungen sowie zur Bekämpfung und Prophylaxe von Infektionen, Entzündungen und Abstoßungsreaktionen bei Transplantati nen.

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

emernational Application No PCT/EP 89/01564

I. CLASS	I. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER (it several classification sympols apply, indicate all) 4											
According	g to Internati	onal Patent Classification (IPC) or to both National	Cassification and IPC									
Int	.cı. ⁵	: C12 N 15/28, C 07 K	13/00, C 12 P 21/0)2								
II. FIELD	II. FIELDS SEARCHED											
		Minimum Documentation	on Searched 7									
Classificat	tion System	Cler	Sification Symbols									
Int.	nt.Cl. ⁵ C 12 N; C 07 K; C 12 P											
		Documentation Searched other than to the Extent that such Documents are										
111. D C	UMENTS (CONSIDERED TO BE RELEVANT										
Category *	Спа	tion of Document, 11 with Indication, where approp	mate, of the relevant passages 12	Relevant to Claim No 12								
х	15	, A2, 0168214 (GENENTECH January 1986, see page ; page 63 - page 66, cla	17, line 7 - line	1-8								
х		, Al, 86/02381 (CETUS CO April 1986, see page 9,		1-8								
Y				1-8								
Y	7 :	, A2, 88/06625 (CETUS CO September 1988, see page ne 17; page 4 - page 5,	e 9, line 16 -	1-8								
"A" "E" "L"	*Special extegories of cited documents: 18 "A" document defining the general state of the ent which is not considered to be of particular relevance "E" earlier document but published on or after the international filing date "L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other apocial reason (as apecified) "O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means "P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed "T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the apolication but or priority date and not in conflict with the apolication but crited to understand the principle or theory underlying the meant of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such document is combined with one or more other such document is combined with one or more other such document is combined with one or more other such documents, such combination being edviced. "A" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive at the priority and invention document is combined with one or more other such documents, such combination being edviced. "A" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive at the priority and invention cannot be considered to involve an invention cannot be considered. "Y" document is combined with one or more other such document is combined with one or more other such documents, such combination being edviced. "A" document member of the international filing date but in the articular relevance; the claimed invention cannot be considered. "Y" document is combined to involve an invention cannot be considered. "Y" document is combined to involve an invention cannot be considered. "Y" document is											
		Completion of the International Search	Date of Mailing of this International	Search Denom								
1	•	1990 (20.03.90)	12 April 1990 (12									
entern	International Searching Authority Signature of Authorized Officer											
Eur	opean	Patent Office		• • • • • •								

Form PCT/ISA/210 (second sheet) (Jenuary 1985)

alegory *	Citation of Document, with indication, where appropriate, of the resevent passages	T)
	ономни и воринати, это воривших, этого вругориям, от на тентам расседае	Reservant to Claim No
Y	EP, A2, 0251037 (DAINIPPON PHARMACEUTICAL CO.,LTD.) 7 January 1988, see page 6 - page 12	1-8
Y	EP, A2, 0155549 (DAINIPPON PHARMACEUTICAL CO.,LTD.) 25 September 1985, see page 10	1-8
A	EP, A2, 0247906 (MIZUNO, DEN'ICHI) 2 December 1987, see the whole document	1-8
	·	
		-))+
	The second secon	

ANNEX TO THE INTERNATIONAL SEARCH REPORT ON INTERNATIONAL PATENT APPLICATION NO.

PCT/EP 89/01564

33273

This annex lists the patent family members relating to the potent documents cited in the above-mentioned international search report. The members are as contained in the European Patent Office EDP-file on 28/02/90. The European Patent Office is in no way liable for these particulars which are merely given for the purpose of information.

Patent document cited in search report	Publication date	Patent memb		Publication date		
EP-A2- 0168214	15/01/86	AU-D- JP-A- US-A-	4465285 61040221 4650674	09/01/86 26/02/86 17/03/87		
WO-A1- 86/02381	24/04/86	NONE				
WO-A2- 88/06625	07/09/88	NONE				
EP-A2- 0251037	07/01/88	JP-A-	63119692	24/05/88		
EP-A2- 0155549	25/09/85	AU-B- AU-D- JP-A- JP-A- JP-A-	584608 3944885 60185799 60232097 61050923	01/06/89 12/09/85 21/09/85 18/11/85 13/03/86		
EP-A2- 0247906	02/12/87	NONE				

INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT

Internationales Aktenzeichen PCT/EP 89/01564

I. KLASSIFIKAT	ON DES ANMELDUNGSGEGENSTANDS (bei me	hreren Klassifikationssymbolen sind alle an	zugepeni ⁶								
Nach der Internationalen Patentklassifikation (IPC) oder nach der nationalen Klassifikation und der IPC											
IPC5: C 12	IPC5: C 12 N 15/28, C 07 K 13/00, C 12 P 21/02										
II. RECHERCHIEF	II. RECHERCHIERTE SACHGEBIETE										
	Recherchierter Mindestprüfstoff ⁷										
Klassifikationssyste	m KI	assifikationssymbole									
IPC5	IPC5 C 12 N; C 07 K; C 12 P										
	Recherchierte nicht zum Mindestprufstoff geh unter die recherchierten	örende Veröffentlichungen, soweit diese Sachgebiete fallen ⁸									
III. EINSCHLÄGIG	E VERÖFFENTLICHUNGEN ⁹										
Art* Kennzi	eichnung der Veröffentlichung ¹¹ , soweit erforderlich u	unter Angabe der maßgeblichen Teile ¹²	Betr. Anspruch Nr. 13								
	A2, 0168214 (GENENTECH, INC.) 15 Januar 1986, siehe Seite 17, Zeile 7 - Zeile 10; Seite 63 - Seite 66, Ansprüche 1-83		1-8								
											
,	WO, A1, 86/02381 (CETUS CORPORATION) 24 April 1986, siehe Seite 9, Zeile 10 - Zeile 15										
Y		· .	1-8								
											
	A2, 88/06625 (CETUS CORPORATION 7 September 1988, siehe Seite 9 Zeile 16 - Zeile 17; Seite 4 - Seite 5, Ansprüche 1-19		1-8								
"A" Veröffentlich definiert, abe "E" älteres Dokum tionalen Ann "L" Veröffentlich	* Besondere Kategorien von angegebenen Veröffentlichungen 10: "A" Veröffentlichung, die den allgemeinen Stand der Technik definiert, aber nicht als besonders bedeutsam anzusehen ist "E" älteres Dokument, das jedoch erst am oder nach dem internationalen Anmeldedatum veröffentlicht worden ist "L" Veröffentlichung, die geeignet ist, einen Prioritätsanspruch zweifelhaft erscheinen zu lassen, oder durch die das Veröffentlichung von besonderer Beginnen in Personderieht oder der Frindung kann nicht als neu oder										
namten Verö anderen beso "O" Veröffentlich eine Benutzu bezieht	ffentlichung belegt werden soll oder die aus einem	keit beruhend betrachtet werden 'Y" Veröffentlichung von besonderer Bed- te Erfindung kann nicht als auf erfit ruhend betrachtet werden, wenn die einer oder mehreren anderen Veröffer gorie in Verbindung gebracht wird un	nderischer Tätigkeit be- Veröffentlichung mit atlichungen dieser Kate-								
licht worden	ch dem beanspruchten Prioritätsdatum veröffent- ist	einen Fachmann naheliegend ist "&" Veröffentlichung, die Mitglied derselb	en Patentfamilie ist								
IV. BESCHEINIG	UNG										
Datum des Ab	schlusses der internationalen Recherche	Absendedatum des internationalen Reche	rchenberichts								
20. Marz 19	990	1 2. 04. 90	·								
Internationale	Recherchenbehörde	Unterschrift des bevollmächtigten Bedieb	steten								
	Europäisches Patentamt	I GUI	√ F.W. HECK								

	CHLÄGIGE: VERÖFFENTLICHUNGEN: (Fortsetzung von Blatt 2)	_
irt *	Kennzeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe der maßgeblichen Teile	Betr. Anspruch 147.
	EP, A2, 0251037 (DAINIPPON PHARMACEUTICAL CO.,	1-8
	LTD.) 7 Januar 1988,	
	siehe Seite 6 - Seite 12	
		
	FP A2 0155540 (DATATODON DUADMACCUTTON OF	
	EP, A2, 0155549 (DAINIPPON PHARMACEUTICAL CO., LTD.) 25 September 1985,	1-8
	siehe Seite 10	
	EP, A2, 0247906 (MIZUNO, DEN'ICHI)	1
	2 Dezember 1987,	1-8
	siehe Dokument insgesamt	
	3	
l		
- 1		
l	•	
j		
l		
]		
Ì		
İ		
	·	
l		
- 1		
	•	
	·	
- [
ļ		
- 1		
1	· .	
j		
1		
- 1		
- 1		
- 1		
.]		1
1		

ANHANG ZUM INTERNATIONALEN RECHERCHENBERICHT ÜBER DIE INTERNATIONALE PATENTANMELDUNG NR.

PCT/EP 89/01564

33273

A

In diesem Anhang sind die Mitglieder der Patentfamilien der im obengenannten internationalen Recherchenhericht angeführten Patentdokumente angegeben.

Die Angaben über die Familienmitglieder entsprechen dem Stand der Datei des Europäischen Patentamts am 28/02/90 Diese Angaben dienen nur zur Unterrichtung und erfolgen ohne Gewähr.

Im Recherchenhericht angeführtes Patentdokument	Datum der Veröffentli chun g	Afitglied Patent	Datum der Veröffentlichung	
EP-A2- 0168214	15/01/86	AU-D- JP-A- US-A-	4465285 61040221 4650674	09/01/86 26/02/86 17/03/87
WO-A1- 86/02381	24/04/86	KEINE		
W0-A2- 88/06625	07/09/88	KEINE		
EP-A2- 0251037	07/01/88	JP-A-	63119692	24/05/88
EP-A2- 0155549	25/09/85	AU-B- AU-D- JP-A- JP-A- JP-A-	584608 3944885 60185799 60232097 61050923	01/06/89 12/09/85 21/09/85 18/11/85 13/03/86
EP-A2- 0247906	02/12/87	KEINE		